

刘春娇



女，硕导，生物信息副研究员，香港大学微生物学博士、博士后。2015年至今，已发表SCI论文15篇（<https://orcid.org/0000-0003-3913-1887>），参与国际性学术汇报7次。是深圳市认定的“海外高层次”人才，盐田区认定的“梧桐凤凰”人才。

研究方向：临床感染大数据应用转化。关注基于宏基因组的二代测序技术（metagenomic next-generation sequencing, mNGS）在感染诊断领域的应用与挑战，旨在探索宏基因组学（metagenomics）与转录组学（transcriptomics）为临床急危重症感染性疾病带来的启示与挑战。申请国家自然科学基金项目1项。2022-2023年将主要专注于宏转录组数据对儿童中枢神经系统感染、非结核分枝杆菌感染进程及宿主反应的揭示。

2014-2020年任香港大学微生物系高级研究助理、博士后研究员，在港期间主要研究方向为临床常见致病菌的耐药基因传播机制及分子流行病学。