

## 李俊桦

---



微生物学博士，研究员。本人任深圳华大生命科学研究院精准健康研究所副所长，深圳市未知病原体应急检测重点实验室主任。

本人任中国生物物理学会肠道菌群分会委员、中华预防医学会生物资源管理与利用研究分会委员和中国微生物学会病毒学专业委员会青年委员，入选国家科技部、国家自然科学基金委、广东省科技厅项目评审专家库。在 *Genome Medicine* 期刊担任 Guest editor，在 *Frontiers in Medicine* 期刊担任 Associate editor。入选科睿唯安

(Clarivate) 2019 年度和 2020 年度全球“高被引科学家”。

本人研究方向聚焦**微生物组、病毒组、病原组**研究及相关**生物信息**分析技术研发，致力于应用微生物组学、培养组学、生物信息学、合成生物学等创新技术，1) 研究人体微生物组、病毒组与疾病的关系；2) 挖掘潜在新病原体，并研究其组学特征；3) 研发新型疾病干预手段。本人为**科技部重点研发计划课题负责人**，主持或参与省部级以上科技项目共 9 项；在 *Nature Aging, Genome Medicine, Critical Reviews in Microbiology, Frontiers in Microbiology, BMC Genomics* 等多个国际学术期刊担任审稿专家。

本人在国际著名学术期刊发表 SCI 论文 60 余篇；其中以**第一作者/通讯作者（含并列）**在 *Nature Biotechnology, Nature Communications, Nature Aging* 等国际著名学术期刊发表论文 27 篇，共被 SCIE 收录论文引用 1733 次，其中他引 1546 次，**4 篇论文入选 ESI 高被引论文，单篇论文最高引用 850 次**；申请受理发明专利 12 项（其中 PCT 专利 7 项），**获授权发明专利 3 项；发布国家标准 1 项、团体标准 1 项；获 2021 年中国产学研合作创新成果奖一等奖，2012 年深证市自然科学奖二等奖**；

基于高通量宏基因组测序技术和先进的生物信息学分析方法，本人主导构建了更全面的人肠道微生物组参考基因集（*Nature Biotechnology* 2014）和可培养肠道菌株集（*Nature Biotechnology* 2019），以此为基础开展了肠道菌与代谢性疾病的多组学关联研究（*Nature Communications* 2017, 2020; *Gut Microbes* 2021; *EBioMedicine* 2019; *Cell Systems* 2016; *GigaScience* 2017），建立了适用于大规模微生物组研究的相关生信分析方法和研究技术（*Microbiome* 2018; *GigaScience* 2017, 2018 等），揭示了性别-肠道菌群-宿主代谢之间的重要关联（*Nature Aging* 2021）。

在新冠科技攻关期间，本人带领课题组积极参与广东省防控新型冠状病毒感染科技攻关应急专项，与 10 多家核心科研单位联合开展科技攻关，助力疫情防控和诊疗。本人团队陆续在新冠病毒高效测序方法（*Genome Medicine* 2020）、病毒群体在个体内和个体间演化规律（*Genome Medicine* 2021; *Frontiers in Medicine* 2021）、病毒长期演化趋势（*Genome Biology and Evolution* 2020）、复阳患者病毒学特征（*Cellular and Molecular Immunology* 2020）以及新冠重症患者共感染微生物组特征（*Cell Discovery* 2021）等多个方面取得突破性科研成果。