

# 覃友文

---



研究方向/领域：宏基因组学/细菌基因组学/数量遗传学/代谢组学。

墨尔本大学博士（2021） 香港大学生MPhil（2015） 华中科技大学本科（2011）。获评深圳市海外高层次人才（符合B类标准） 深圳市盐田区“梧桐人才” 华大基因学院高级讲师。

第一次加入华大时间为2010年。长期从事人体微生物组研究，主要关注人肠道微生物菌群。参与了第一波人肠道微生物菌群与疾病的关联研究，发现多个微生物与疾病表征有关联。疾病种类包括2型糖尿病（T2D）、肥胖和结直肠癌，相关成果发表在《Nature》及其子刊和《Gut》杂志。

硕士期间，在Pak Sham实验室与香港大学医学院研究团队合作，运用DNA测序技术研究胃部微生物对胃癌发生发展过程的作用，相关成果发表在《Scientific report》。

博士期间，在Michael Inouye实验室（墨尔本和剑桥）与芬兰和美国研究团队合作，基于芬兰人群的大队列，研究宿主遗传变异对肠道微生物组和血液代谢组的影响。发现LCT、ABO和MED13L等基因位点对肠道菌群的影响；并且利用遗传信息，发现对疾病有潜在致病作用的细菌，如Morganella可能促进抑郁症的发生。标杆性成果已发表在《Nature genetics》（独立一作，封面文章）。还参与了WHO结核杆菌耐药性基因组变异集的构建，成果发表在《Lancet microbe》。

求学期间活跃于当地研究团体，作为Co-coordinator组织了2018年澳大利亚生物信息协会的年度学术大会。

曾就职于华大基因股份有限公司，开发多款生物信息分析流程应用于商业服务，并且作为第一发明人获得发明专利1项。目前就职于深圳华大生命科学研究院，开展人体微生物（肠道和口腔微生物）在癌症早筛、治疗和发病机理上的研究和应用。