

王达希



男，动物医学博士，深圳华大生命科学研究院生物技术副研究员，研究领域为病原挖掘、溯源和分子进化。

2019 年博士毕业于墨尔本大学动物医学专业，2019 年末加入深圳华大生命科学研究院精准健康研究所任生物技术副研究员，2020 年 6 月至今任全球病原数据库项目的项目负责人。

本人在病原进化和病毒组领域积累了大量的研究经验。

博士期间研究阐述了寄生蠕虫的全基因组变异及适应性进化特征 (*Biotechnology Advances*, 2018)。在新冠疫情初期间通过宏转录组测序解析了新冠病毒群体的宿主内变异特征，揭示了病毒群体在个体内组织间的演化差异以及在人际间传播中的群体瓶颈效应 (*Genome Medicine*, 2021)，并受到广东省科技厅防控新型冠状病毒科技攻关应急专项“广东地区新型冠状病毒变异检测及全病程病毒准种动态进化研究”及“新型冠状病毒 2019-nCoV 溯源与流行病学研究”的支持。2020 年 6 月后负责全球病原数据库项目，主持监测发现动物中的人畜共患病原，至今已测序解析近万份动物样品，并发现上千种新病毒，在病毒组领域取得突破性成果。