

兰天明



男，丹麦哥本哈根大学基因组学博士，副研究员，华大基因学院高级讲师，数字化地球研究所动物方向课题组长。研究方向是以多组学技术手段揭示各个尺度上的动物的起源、演化、迁移、驯化、濒危原因以及生物学特征的遗传机制等。

发表 SCI 论文 20 余篇，其中第一作者（含共同）或通讯作者（含共同）在 Nature Genetics, Protein & Cell, Science Bulletin, Gigascience 等杂志发表多篇文章，获得多项发明专利和软件著作权。

专利和软件著作权。

2013 年加入深圳华大生命科学研究院，从事 5 年群体基因组学研究，共同参与完成了国际千人基因组计划，负责东亚人群的数据分析和挖掘，在群体基因组学的分析和研究上积累了大量的经验，期间共同在 Nature 上发表了国际千人基因组计划的 III 期文章，以共同 1 作身份在 Nature Genetics 发表发表蒙古人群体基因组相关研究成果，以第 1 作者身份在 GigaScience 上发布了中国人群的遗传变异图谱。同时负责多项古基因组学研究，在古基因组的提取、建库和信息分析方法方面做了大量的研发工作，相关成果在 Molecular Biology and Evolution、Genes 和 Ecology and Evolution 等杂志相继发表。2018 年加入到华大研究院数字化地球研究所，现任农业研究中心动物研究方向课题组长，带领团队同时进行多项动物基因组课题研究，包括大熊猫、虎、穿山甲、孔雀、朱鹮、麝鼠、貉子、果子狸等物种的基因组和群体基因学研究，揭示物种的濒危机制、相关生物学特征的遗传学机制以及揭示种群的迁移和起源等问题。其中草地贪夜蛾基因组研究成果于 2020 年发表于 Protein & Cell，产生了极大的社会影响，为草地贪夜蛾的防止提供了大量的科学素材和支撑。大熊猫基因组的相关研究成果于 2021 年发表于 Science Bulletin，对秦岭和四川亚种的分化时间进行了大幅矫正，同时对低繁殖率和器官变小的遗传机制进行了深入探讨。

同时担任华大基因学院研究生导师，目前指导中科院大学研究生 5 名，包括 2 名博士研究生和 3 名硕士研究生，另外指导 4 名联合培养博士生。