

方超



本科毕业于中山大学，现为哥本哈根大学生物信息学博士，主攻分子生物学与生物信息学，研究领域为基于宏基因组学的人共生与环境微生物研究。

2013 年加入华大基因，一直从事宏基因组学技术开发与生物信息学方法学构建。了解生命科学领域的研究和产业发展方向，熟悉大规模基因组、生物信息学应用研究的开展与执行，有良好的团队组建和管理运营能力。熟悉新一代测序技术等高通量平台的技术特点和各种测序应用类型的数据特征、分析思路、方法策略，包括全新参考基因组构建、变异检测、微生物生态学以及微生物组与宿主的互作等。多次在国内外学术会议上做专题报告，发表文献 2，其中第一作者（含并列一作）1 篇，平均影响因子在 5 分以上。熟悉和擅长基于测序的技术和产品研发，参与了生物信息软件、流程开发，获得专利 1 项，软件著作权 1 项，申获深圳市孔雀计划基金一项。

主要已发表文献：

- 1 Fang, C. et al. Assessment of the cPAS-based BGISEQ-500 platform for metagenomic sequencing. *Gigascience* 7, 1-8, doi:10.1093/gigascience/gix133 (2018).
- 2 Zhong, H. et al. Lipidomic profiling reveals distinct differences in plasma lipid composition in healthy, prediabetic and type 2 diabetic individuals. *Gigascience*, doi:10.1093/gigascience/gix036 (2017).

公开项目：<https://github.com/Scelta>