

## 马彬广

---



男，教授，博士生导师。研究方向为生物物理学、计算生物学、系统与合成生物学。

Nature 旗下国际刊物 Scientific Reports 编委。iGEM 国际遗传工程机器设计竞赛 2013 亚洲赛区评委。第八届国际生物信息研讨会(IBW2010-武汉)组委会程序委员。近几年来主要在计算生物学领域从事基因组分析、蛋白质折叠及蛋白质相互作用、微生物热适应的分子机理等方向的研究工作，在 Nucleic Acid Res., Structure, PLoS Comput Biol., Sci. Rep., J. Mol. Biol., Proteins, Genome Biol., BMC Genomics, PLoS One, FEBS J., FEBS Lett., Gene, Biochem. Biophys. Res. Commun. 等国际重要期刊发表 SCI 论文 20 多篇，其中，关于蛋白质折叠类型预测的 JMB 论文入选 Faculty of 1000 Biology。本人曾受邀担任国内外重要期刊审稿人，例如：Journal of Chemical Information and Modeling, The Open Structural Biology Journal, Journal of Molecular Biology, Journal of Theoretical Biology, Molecular BioSystems, Gene, Genomics, Journal of Biomolecular Structure & Dynamics、生物物理学报等。