

陈东升



男，博士，深圳华大生命科学研究院生物信息副研究员。研究方向为单细胞转录组、演化发育。

2010年本科毕业于华中农业大学，2017年获剑桥大学遗传学博士学位。主要研究领域为：单细胞转录组测序技术及分析方法开发、表观遗传调控、演化发育生物学。人体由200多种不同类型的细胞构成，每种细胞都有自己独特的形态、位置、功能以及分子表达谱。同一种细胞类型，也存在较大的异质性。自2009年第一篇单细胞测序文章发表以来，scRNAseq技术被广泛用于揭示细胞的分子特征（转录因子、配体、受体）、细胞分化路径、细胞通讯网络以及细胞内部的基因调控网络。本项目组利用scRNA-seq技术在单细胞水平上研究视网膜及脑组织等神经系统的发育过程。